

## **Relación entre factores ambientales y el rearrreglo génico TEL/AML1 en el desarrollo de la Leucemia aguda infantil**

### **FICHA TÉCNICA DE LA BASE**

- 1. Objetivo general del proyecto.** 1) Identificar secuencias genómicas de virus oncogénicos en niños con diagnóstico de novo de LA. 2) Medir la asociación entre estos virus oncogénicos con el rearrreglo génico TEL/AML1 en niños con LAL de células B y entre otros tipos de LA.
- 2. Propósito de la base.** Se utilizó para identificar la asociación clínica entre los virus oncogénicos y el rearrreglo génico TEL-AML1.
- 3. Investigador principal a cargo:** Dr. Juan Carlos Nuñez Enriquez y Janet Flores Lujano
- 4. Recolección de la base de datos.**

#### **Criterios de Inclusión:**

1. Paciente de reciente diagnóstico de LAL, confirmado por médula ósea e inmunofenotipo.
2. Pacientes que no hayan recibido previamente un tratamiento antineoplásico.
3. Cualquier edad y sexo.
4. Se les hubiera podido realizar el estudio del rearrreglo génico TEL/AML1.
5. Aceptarán la realización de una entrevista y toma de muestra sanguínea .

#### **Criterios de Exclusión:**

1. Niños con diagnóstico de LAL que no se les hubiera podido confirmar el diagnóstico por inmunofenotipo.
2. Niños que no vivían con sus padres biológicos y que estos no puedan ser localizados.

#### **Criterios de Eliminación:**

1. Niños que por alguna causa no se hubiera podido obtener el resultado del estudio del rearrreglo génico TEL/AML1.

#### **Periodo de recolección de datos.**

Inicio: 1 de Enero 2010

Termino: 31 de Diciembre de 2012

**Variables incluidas:** 10 variables.

- 5. Estrategia de aseguramiento para la proyección de datos sensibles/personales.**

Se asignó un número de folio a cada participante, no se capturó el nombre del paciente. Ni el lugar de residencia, ni tampoco su número de seguridad social.

- 6. Fecha última de actualización.** 31 de Diciembre de 2012.

- 7. Mencionar el tipo de controles para la validación y verificación de la captura de los datos.** El investigador revisaba la captura de la información hecha por capturistas de forma mensual para revisar la consistencia de captura y la validez de los datos.

**8. Otras plataformas** donde se encuentren disponibles las bases. Incluir URL.

No aplica.

**9. Otras fuentes de Financiamiento.** No aplica.

**10. Seguimiento de la Cohorte en estudio.** Se siguió cada paciente por 12 meses a partir del diagnóstico.

**11. Publicaciones.**

1. Bekker-Méndez VC, Miranda-Peralta E, Núñez-Enríquez JC, Olarte-Carrillo I, Guerra-Castillo FX, Pompa-Mera EN, Ocaña-Mondragón A, Rangel-López A, Bernáldez-Ríos R, Medina-Sanson A, Jiménez-Hernández E, Amador-Sánchez R, Peñaloza-González JG, de Diego Flores-Chapa J, Fajardo-Gutiérrez A, Flores-Lujano J, Rodríguez-Zepeda Mdel C, Dorantes-Acosta EM, Bolea-Murga V, Núñez-Villegas N, Velázquez-Aviña MM, Torres-Nava JR, Reyes-Zepeda NC, González-Bonilla C, Mejía-Aranguré JM. Prevalence of gene rearrangements in Mexican children with acute lymphoblastic leukemia: a population study-report from the Mexican Interinstitutional Group for the identification of the causes of childhood leukemia. *Biomed Res Int.* 2014;2014:210560. doi: 10.1155/2014/210560. Epub 2014 Jul 17. PMID: 25692130; PMCID: PMC4323064.
2. Morales-Sánchez A, Pompa-Mera EN, Fajardo-Gutiérrez A, Alvarez-Rodríguez FJ, Bekker-Méndez VC, Flores-Chapa Jde D, Flores-Lujano J, Jiménez-Hernández E, Peñaloza-González JG, Rodríguez-Zepeda MC, Torres-Nava JR, Velázquez-Aviña MM, Amador-Sánchez R, Alvarado-Ibarra M, Reyes-Zepeda N, Espinosa-Elizondo RM, Pérez-Saldivar ML, Núñez-Enríquez JC, Mejía-Aranguré JM, Fuentes-Pananá EM. EBV, HCMV, HHV6, and HHV7 screening in bone marrow samples from children with acute lymphoblastic leukemia. *Biomed Res Int.* 2014;2014:548097. doi: 10.1155/2014/548097. Epub 2014 Sep 18. PMID: 25309913; PMCID: PMC4189769.
3. **Otros. Cualquier información extra que sea pertinente precisar o agregar.**  
Ninguno